아시아인의 기원과 유전적 다양성 규명

대전광역시-생명연-FHCRC공동협력연구센터 유향숙 2009.12.

연구개요 · 한국을 비롯한 아시아 10개국 90여 명의 과학자가 동남아시아 73개 인종에 대한 유전 적 변이분석을 통해 아시아인들의 이동경로와 유 전적 특성 등에 대한 추적이 가능한 연구결과를 발표함.

개발내용…아시아지역 인간게놈연구회소속 (HUGO, Pan-Asian) 회원들은 2004년부터 남부, 동부아시아에 사는 73인종의 유전체(게놈) DNA 를 분석하여 각 인종 간에 변이가 일어나는 부위 (SNP. 단일염기다형성부위)를 비교 추적 분석함.

··각 인종은 사용하는 언어와 지역에 따라 유전적 으로 분류되며 이를 추적해보면 유전적 다양성은 동북아시아인에서 보다 동남아시아인 쪽이 많은 것으로 나타남.

··이번 연구는 참여하는 각 나라의 팀들이 해당 인종의 게놈 DNA를 미국 Affimetrix사의 SNPchip 을 공통으로 사용하여 같은 방법으로 실험하였고, 그 데이터를 공동으로 분석하여 얻은 결과임.

활용사례 / 효과··사이언스(Science)지에 논문 이 발표됨.

··한국 측은 많은 컴퓨터용량과 정보 분석 인력을 제공하고, 초기에는 연구비나 기술상에 어려운 점 들도 많았으나 상호 신뢰와 협조를 통해 아시아지 역 10개국의 과학자들이 공동으로 수행했다는 점 과 앞으로 인간의 유전적다양성 연구에서 협력연 구를 할 수 있는 기반이 아시아지 역에서도 만들어 졌다는 점에서 그 의미가 큼.



Mapping Human Genetic Diversity in Asia The HUGO Pan-Asian SNP Consortium, et al. Science 326, 1541 (2009); DOI: 10.1126/science.1177074

Updated information and services, including high-resolution figures, can be found in the online version of this article at: http://www.sciencemag.org/cgi/content/full/326/5959/1541

Supporting Online Material can be found at:

A list of selected additional articles on the Science Web sites related to this article can be

This article cites 24 articles, 5 of which can be accessed for free: http://www.sciencemag.org/cgi/content/full/326/5959/1541#otherartic

nis article appears in the following subject collections

tp://www.sciencemag.org/cgi/collection/genetics

rmation about obtaining reprints of this article or about obtaining permission to reproduce article in whole or in part can be found at:



아시아인들의 이동경로

오스트로네시안(엷은 초록색), 오스트로아시안(붉은색), 타이카다이(진한 파랑색), 후모민(엷은파랑색), 알타이족(노랑색)