

‘유전자 발현 양 측정’ 정확도를 획기적으로 개선

생명정보센터
이상혁 2010.11.

연구개요 ··차세대 염기서열분석 기술로 생산되는 대용량 서열 데이터로부터 유전자 발현 양을 계산할 때 정확도를 획기적으로 개선한 뉴마(NEUMA) 라는 새로운 분석기술을 개발함.

개발내용 ··‘뉴마(NEUMA)’ 분석기술은 기존의 방법에 비하여 정확도가 월등히 우수함을 실험과 모의계산을 통하여 증명함.

··뉴마(NEUMA)는 기존의 커플링크스(Cufflinks)나 톱햇(TopHat) 방법들이 가지는 한계를 뛰어넘기 위해서 이미 알려진 RNA의 정보를 이용하여 유전자 발현 양을 측정함.

··대용량으로 생산되는 NGS 데이터에서 유전자 발현 양 측정의 정확도를 획기적으로 향상시킨 최신 기술로서, 개인유전체 정보 기반의 미래의학 시대를 앞당길 핵심기술임.

활용사례/효과 ··개인유전체 시대에 대비한 국가적 생명정보 분석기반을 구축하는데 활용될 수 있음.
·· 생명과학 분야의 국제학술지인 ‘핵산리서치(Nucleic Acids Research)지’ 온라인판에 게재됨.